CỘNG HÒA XÃ HỘI CHỦ NGHĨA VIỆT NAM
Độc lập – Tự do – Hạnh phúc

THÔNG TIN NHỮNG ĐÓNG GÓP MỚI CỦA LUẬN ÁN TIẾN SĨ

Tên luận án: Nghiên cứu tính kháng kháng sinh ở mức độ phân tử của *Salmonella* spp. phân lập từ thực phẩm tại thành phố Hồ Chí Minh

Chuyên ngành: CÔNG NGHỆ SINH HỌC **Mã số:** 9.42.02.01

Nghiên cứu sinh: TRƯƠNG HUỲNH ANH VŨ **Khóa:** 2016

Người hướng dẫn: PGS. TS. Nguyễn Hoàng Khuê Tú

Cơ sở đào tạo: Trường Đại hoc Nông Lâm thành phố Hồ Chí Minh

Những đóng góp mới của luận án

Cung cấp thông tin về tình hình nhiễm và tỷ lệ kháng kháng sinh của *Salmonella* spp. trong thực phẩm (thịt, thủy hải sản, rau củ quả, trứng) tại thành phố Hồ Chí Minh.

Đã xác định được đặc điểm của các gen và yếu tố liên quan tính kháng kháng sinh (nhóm integron, kiểu plasmid không tương hợp, vùng gen cassette) của các serovar *Salmonella* spp. phân lập từ thực phẩm.

Luận án phát hiện các đột biến mới trên các gen *bla*TEM/blaCTX mã hoá sinh ESBL và các gen *gyr*A, *par*C liên quan đến kháng kháng sinh nhóm quinolon dựa trên kết quả giải trình tự bộ gene. Đã đăng ký accession number cho bộ gen tại Ngân hàng Cơ sở Dữ liệu DNA (DDBJ), Nhật Bản.

HƯỚNG DẪN KHOA HỌC	**NGHIÊN CỨU SINH**
PGS. TS. Nguyễn Hoàng Khuê Tú	Trương Huỳnh Anh Vũ

NEW CONTRIBUTION OF THE STUDY

Thesis title: Research on molecular characteristics of antibiotic resistance in *Salmonella* spp. isolated from food in Ho Chi Minh City

Major: Biotechnology **Code:** 9.42.02.01

PhD. Candidate: Truong Huynh Anh Vu **Course:** 2016

Supervisors: Assoc. Pro. Dr. Nguyen Hoang Khue Tu

Educational institution: Nong Lam University, Ho Chi Minh City

New findings of the thesis:

Information on the situation of infection and the rate of antibiotic resistance of *Salmonella* spp. isolated in food (meat, seafood, vegetables, eggs) collected in Ho Chi Minh City is provided.

The characteristics of genes and factors (integron, plasmid incompatibility, cassette gene) related to antibiotic resistance of *Salmonella* spp. isolated from food were identified.

The thesis detected the new mutations on the blaTEM/blaCTX genes that encode ESBL biochemistry and the *gyr*A and *par*C genes associated to antibiotic resistance to quinolon group based on whole genome sequence analysis. Moreover, one whole genome sequence was registered an accession number at DNA Database Bank (DDBJ), Japan.

SUPERVISOR **PHD. CANDIDATE**

Assoc. Pro. Dr. Nguyen Hoang Khue Tu Truong Huynh Anh Vu